# البحث الثاني

| | |
|---|---|
| **البحث الثاني** | Omayma O. Abdelaleem, Olfat G. Shaker, Marwa N. AbdelHafez, Noha K. Abdelghaffar, Hanaa M. Eid, Mohamed Zaidan, Abeer A. Khalefa, Naglaa A. Ahmed, **Nada F. Hemeda**, Othman M. Zaki, Aeshah Ali A. Awaji and Shereen R. Mohammed **(2021)**. The Influence of rs1859168 Polymorphism on Serum Expression of HOTTIP and Its Target miR-615-3p in Egyptian Patients with Breast Cancer. Biomolecules, 11: 733. **https://doi.org/10.3390/biom11050733** |
| 2 | |
| | **مشترك مع آخرين من خارج التخصص– منشور** |

| | |
|---|---|
| **عنوان البحث** | **أثير تعدد الأشكال rs1859168 على التعبير المصلي لـ HOTTIP وهدفه miR-615-3p في المرضى المصريين المصابين بسرطان الثدي.** |
| **المشاركون** | أميمة عبدالعليم 1، ألفت شاكر 2، مروة ن. عبد الحافظ 3، نهى عبد الغفار 4، هناء محمد عيد 5،*،†، محمد زيدان 6، عبير خليفة 7، نجلاء أحمد 7، **ندى ف.حميدة 8** وعثمان محمد زكي 9 وعائشة علي عبد العواجي 10 وشيرين ر. محمد 1<br>1- قسم الكيمياء الحيوية الطبية والبيولوجيا الجزيئية، كلية الطب، جامعة الفيوم<br>2 - قسم الكيمياء الحيوية الطبية والبيولوجيا الجزيئية، كلية الطب، جامعة القاهرة<br>3- قسم علاج الأورام، المعهد القومي للأورام، جامعة القاهرة<br>4- قسم علم الأمراض الإكلينيكية، كلية الطب، جامعة الفيوم<br>5- قسم الميكروبيولوجي والمناعة، كلية الطب، جامعة الفيوم<br>6- قسم الجراحة العامة، كلية الطب، جامعة الفيوم<br>7- قسم الفسيولوجيا، كلية الطب، جامعة الزقازيق<br>**8- قسم الوراثة، كلية الزراعة، جامعة الفيوم**<br>9-قسم علم الأمراض الإكلينيكية، كلية الطب، جامعة دمياط<br>10-قسم الأحياء، كلية العلوم، الكلية الجامعية بتيماء، جامعة تبوك، تبوك 47711، المملكة العربية السعودية؛ |
| **المجلة** | Biomolecules, 11: 733. **https://doi.org/10.3390/biom11050733** |


**الملخص العربـــى**

الخلفية: تم مؤخراً توثيق تعدد أشكال الـ RNA الطويلة غير المشفرة كعوامل خطرة لتطور العديد من الأورام .علاوة على ذلك، فقد برز تقييم الحمض النووي الريبي غير المشفر باعتباره كاشفًا جديدًا لمرضى سرطان الثدي . نحن نهدف إلى التنميط الجيني لنسخة HOXA في الطرف البعيد rs1859168 (HOTTIP) وتقييم علاقتها بمستويات مصل HOTTIP وهدفها miR-615-3pفي المرضى الذين يعانون من سرطان الثدي .(BC)

الطرق: تم دمج مائة وواحد وخمسين مريضًا مصابًا بالـBC ، و139 مريضًا مصابًا بالورم الغدي الليفي(FA) ، و143 مشاركًا صحيًا في الدراسة الحالية .تم تقييم التنميط الجيني لـ rs1859168 وقياسات مستويات HOTTIP و miR-615-3p باستخدام PCR الكمي في الوقت الحقيقي

النتائج: كشفنا عن وجود ارتباط كبير بين كل من الأنماط الجينيةCC ، وأليلC ، والنماذج السائدة والمتنحية، وزيادة خطر الإصابة بالـBC (P = 0.013 ، P <0.001 ، P <0.001 ، و0.001> P ، على التوالي) مقارنة بـ الضوابط الصحية . وبالمثل، لوحظ أن النمط الوراثيCC ، والأليلC ، والنموذج المتنحي مرتبطان بزيادة حدوث BC فيما يتعلق بـ FA (P

0.001>للجميع .(تم التحقق من انتعاش كبير لـ HOTTIP وانخفاض ملحوظ في miR-615-3p في المرضى الذين يعانون من BC مقارنة بكل من الأفراد الأصحاء والمرضى الذين يعانون من FA والمجموعة غير) BC مواضيع صحية P) (FA + 0.001>لـ الجميع .(وقد ظهر وجود علاقة سلبية كبيرة بين التعبير عن HOTTIP و miR-615-3pفي مصل المرضى الذين يعانون من .BC تمت إعادة تنظيم تعبير HOTTIP ، في حين تم تنظيم تعبير miR-615-3p في المرضى الذين يعانون من BC والذين حملوا النمط الوراثي CC فيما يتعلق بأولئك الذين حملوا الأنماط الجينية AA أو 0.05> P) AC للجميع

الاستنتاجات :ترتبط المتغيرات الجينية لـ rs1859168 بزيادة القابلية للإصابة بمرض .BC علاوة على ذلك، يمكن استخدام HOTTIPو miR-615-3pكمؤشرات وأهداف جديدة لعلاج المرضى الذين يعانون من.BC