البحث الرابع

تأثير تعدد الأشكال rs1859168 على تعبير المصل HOTTIP وهدفه miR-615-3p فى المرضى المصريين المصابين بسرطان الثدى.

اسم المجلة: Biomolecules
تايخ النشر:2021

الملخص:

تم مؤخرًا توثيق تعدد الأشكال للـ RNAs الطويلة غير المشفرة على أنها عوامل خطرة تساعد علي تطور العديد من الأورام. علاوة على ذلك تم تقييم الحمض النووي الريبي غير المشفر ككاشف جديد لمرضى سرطان الثدي. نحن نهدف إلى التركيب الجيني لنسخة HOXA عند الطرف البعيد (rs (1859168HOTTIP وتقييم علاقتها بمستويات HOTTIP وهدفها miR-615-3pفي مرضى سرطان الثدي والطريقة كانت : تم تجميع مائة وخمسون مريضًا مصابًا بسرطان الثدي ، و 139مريضًا مصابًا بورم غدي ليفي (FA) ، و 143مشاركًا سليمًا. تم دمجهم في الدراسة الحالية. وتم دراسه التنميط الجيني 1859168rs وقياس مستويات HOTTIP و miR-615-3p باستخدام PCR الكمي في الوقت الفعلي. النتائج كشفت ارتباط كبير بين كل من الأنماط الجينية C،CC ، النماذج السائدة والمتنحية ، وزيادة مخاطر سرطان الثدي 0.013 BC، p <0.001، p <0.001 ، و p <0.001 ، على التوالي) نسبه إلى الاشخاص الصحيحه. وبالمثل ، لوحظ النمط الجيني C،CC أليل ، والنموذج المتنحي لتكون مرتبطة بزيادة حدوث سرطان الثدي مقارنه بالورم الغدي الليفي

P <0.001 للجميع). تم التحقق من تنظيم HOTTIP وانخفاض ملحوظ في miR-615-3p في المرضى الذين يعانون من سرطان الثدي مقارنة بكل فرد من الأفراد الأصحاء ، والمرضى الذين يعانون من الورم الليفي بالثدي، والمجموعة غير المصابة بـ سرطان الثدي (الأصحاء +المصابون بالورم الغدي الليفي) (للجميع p <0.001). تم إثبات وجود علاقة سلبية كبيرة بين التعبير عن HOTTIP و miR-615-3p في مرضى سرطان الثدي. تعبير HOTTIP كان تم ضبطه ، في حين تم تقليل تنظيم miR-615-3p في المرضى الذين يعانون من سرطان الثدي الذين يحملون CC النمط الجيني مقارنه بأولئك الذين يحملون النمط الجيني AA أو يحملون الأنماط الجينية P) AC <0.05 للجميع)و الاستنتاجات: لاحظت ارتباط المتغيرات الجينية لـ 1859168rs بزيادة القابلية لسرطان الثدي. علاوة على ذلك HOTTIP و miR-615-3p تعتبر مؤشرات وأهداف جديدة لعلاج مرضى سرطان الثدي