

البحث الثاني

النوكليوتيدات المفردة (rs767649) miR-155 T/A و miR-146a A/G
كعوامل خطر للإصابة بفيروس التهاب الكبد B المزمن بين المرضى
المصريين

المشاركون في البحث: إيناس حفزي، نهى حسونة، ألفت شاكر، محمد مسعود، تبيان عبد الحميد، طارق أحمد، ندى حميدة، محمد عبد الحكيم، رانيا محمود

مكان النشر:

PLoS ONE, 2021; 54 (8): e0256724. DOI:
10.1371/journal.pone.0256724

الخلفية: يمكن للمتغيرات الجينية في microRNAs (miRNAs) أن تغير تعبير و/أو وظيفة miRNAs، وبالتالي، مما يؤثر على المسارات البيولوجية ذات الصلة ومخاطر الأمراض. تم وصف خلل تنظيم مستويات التعبير miR-155 و miR-146a جيدًا في التهاب الكبد الفيروسي (HBV) B. في الدراسة الحالية، كنا نهدف إلى تقييم الأشكال المتعددة rs767649 T/A و rs57095329 A/G في جينات miR-155 و miR-146a، على التوالي، كعوامل خطر للإصابة بفيروس التهاب الكبد B المزمن (CHBV) في المصريين. أيضًا، كنا نهدف إلى إجراء تحليل سيليكو لفحص الجزيئات التي تستهدف جزيئات miRNAs في المقام الأول.

الطرق: تم فحص مائة مريض يعانون من التهاب كبدي بي مزمن CHBV ومائة من الضوابط المتطابقة مع العمر والجنس مع دليل على الإصابة بفيروس التهاب الكبد B في الماضي لـ miR-155 (rs767649) و miR-146a (rs57095329) باستخدام تفاعل البلمرة المتسلسل.

النتائج: تمنح الأنماط الجينية AT rs767649 و AA في المرضى خطرًا بأربعة أضعاف وعشرة أضعاف على التوالي، مقارنةً بالمجموعة الضابطة. [AOR = 4.245 (95% CI)] و (p<0.0001، 2.009–8.970) و (p<0.0001، 27.919–10.583) (95% CI 4.012–)، ارتبط أليل A rs767649 بزيادة خطر الإصابة بالتهاب الكبدي بي المزمن (AOR = 2.777 (95% CI 1.847–4.175)، p<0.0001). كان هناك اختلاف كبير في تواتر الأنماط الجينية AG rs57095329 و GG في مرضى التهاب الكبدي بي المزمن مقارنةً بالمجموعة الضابطة. أظهرت الأنماط الجينية AG و GG زيادة في خطر الإصابة بفيروس التهاب الكبدي بي المزمن بنحو ثلاثة وستة أضعاف على التوالي [AOR = 2.610 (95% CI 1.362–5.000)، p = 0.004] و [AOR = 5.604 (95% CI 2.157–)] (p<0.0001، 14.563)

الاستنتاج: خلصنا إلى أن rs57095329 و rs767649 SNPs يمكن أن تكون بمثابة عوامل خطر محتملة لتطور فيروس CHBV في المصريين