

البحث الثامن

تعدد اشكال النوكليوتيد المفردة للحمض النووي الريبي الطويل غير المشفر GAS5 rs2067079 و للحمض النووي الريبي الدقيق miR-137 rs1625579 كعامل للإصابة المزمنة بفيروس التهاب الكبدى B بين المرضى المصريين

إعداد

رانيا حسني محمود^١، إيناس ممدوح حفطي^٢، ألفت جميل شاكر^٣، طارق ابراهيم أحمد^٤، نهى خليفة عبد الغفار^٥، عصام علي حسن^٦، أمل عبد المنعم إبراهيم^٧، دعاء يونس علي^٨، محمد محمد^٩، أميمة عويس عبد العليم^{١٠}

^١ قسم الكيمياء الحيوية الطبية والبيولوجيا الجزيئية ، كلية الطب ، جامعة الفيوم ، الفيوم ، مصر. ^٢ قسم الأحياء الدقيقة الطبية والمناعة ، كلية الطب ، جامعة الفيوم ، الفيوم ، مصر. ^٣ قسم الكيمياء الحيوية الطبية والبيولوجيا الجزيئية ، كلية الطب ، جامعة القاهرة ، القاهرة ، مصر. ^٤ قسم الأمراض الباطنة - كلية الطب - جامعة الفيوم - الفيوم - مصر. ^٥ قسم الباثولوجيا الإكلينيكية ، كلية الطب ، جامعة الفيوم ، الفيوم ، مصر. ^٦ قسم طب المناطق الحارة - كلية الطب - جامعة الفيوم - الفيوم - مصر. ^٧ قسم الأمراض الباطنة - كلية الطب - جامعة القاهرة - القاهرة - مصر.

نوع البحث: فردي

تاريخ ومكان النشر:

Scientific Reports; **11**, 20014 (2021). <https://doi.org/10.1038/s41598-021-99345-2>

ملخص البحث

عدوى فيروس التهاب الكبد الوبائي ب (HBV) هي مشكلة صحية هامة في جميع أنحاء العالم. لقد حاولنا دراسة الآليات الجزيئية للعوامل اللاجينية والوراثية المرتبطة بفيروس التهاب الكبد المزمن (CHBV). تم تحليل مستويات التعبير عن عامل توقف النمو GAS5-lncRNA و miR-137 و SNPs المقابلة ، (C/T rs2067079) و (rs1625579 G/T) في ١١٧ مريضاً من CHBV و ١٢٠ عنصر ضبط للتحقيق في الارتباط المحتمل بين هذه المؤشرات الحيوية والتسبب في الإصابة بفيروس التهاب الكبد الوبائي في المصريين. تم تنظيم مستويات التعبير المصلي لـ GAS5 و miR-137 بشكل ملحوظ في الحالات مقابل عنصر الضبط. فيما يتعلق بـ (GAS5 rs2067079) ، أظهر النمط الوراثي TT الطافر زيادة خطر الإصابة بـ CHBV ($p > 0,001$) ، بينما كان CC سائداً عاملاً وقائياً ($p = 0.004$). فيما يتعلق بـ miR-137 rs1625579 ، تم الإبلاغ عن النمط الوراثي الطافر TT كعامل خطر لـ CHBV ($p > 0,001$) وكان النمط الجيني GG طبيعياً عاملاً وقائياً ، $p > 0,001$. كان مستوى GAS5 في مصل الدم أعلى بشكل ملحوظ في النمط الوراثي TT لـ GAS5 SNP مقارنة بالأنماط الجينية الأخرى ($p = 0.007$). فيما يتعلق بـ miR-137 rs1625579 ، ارتبط النمط الوراثي TT الطافر ارتباطاً كبيراً بمستوى تعبير مصلي أقل من miR-137 ($p = 0,018$). لقد كشفنا أن مستويات التعبير غير المنظمة لـ GAS5 و miR-137 المرتبطة بال SNPs الفاعلة كانت مرتبطة بمخاطر CHBV وقد تكون بمثابة أهداف علاجية محتملة.