تعدد الأشكال الوظيفية للGAS5 rs2067079 و miR-137 rs1625579 وخطر الإصابة بفيروس الالتهاب الكبدي المزمن B بين المرضى المصريين

المشتركون فى البحث : د/ رانيا حسني محمود سالم د/ايناس ممدوح حفظي أ.د ألفت جميل شاكر د/طارق ابراهيم أحمد د/نهي خليفه عبد الغفار د/عصام علي حسن د/ أمل عبدالمنعم إبراهيم

د/دعاء يونس علي محمد د/محمد ماضي محمد د/اميمه عويس عبد العليم

مكان النشر: ١١، ٢٠٠١٤ (٢٠٢١) Scientific Reports,

تاريخ النشر:October 2021

ملخص البحث

تعد عدوى فيروس التهاب الكبد B (HBV) مشكلة صحية كبيرة في جميع أنحاء العالم.
حاولنا تحقيق الآليات الجزيئية للعوامل اللاجينية والوراثية المرتبطة بفيروس التهاب الكبد B المزمن (CHBV).تم تحليل مستويات التعبير عن توقف نمو lncRNA محدد ٥ (GAS5) و miR □ 137 وما يقابلها من SNPs، rs2067079 (C / T) و rs1625579 (G / T) في ١١٧ مريضًا من CHBV و ١٢٠ عنصر تحكم للتحقيق في الارتباط المحتمل بين هذه المؤشرات الحيوية والتسبب في الإصابة بفيروس التهاب الكبد الوبائي في السكان المصريين. تم تنظيم مستويات التعبير المصل لـ GAS5 و 137 - miR بشكل كبير في الحالات مقابل الضوابط. فيما يتعلق بـ GAS5 (rs2067079) ، أظهر النمط الوراثي TT الطافر زيادة خطر الإصابة بـ CHBV (P <0.001) ، بينما كان CC السائد عاملاً وقائيًا (P = 0.004). فيما يتعلق بـ 137 rs1625579 - miR ، النمط الوراثي الطافر TT سجل بانه عامل خطر لـ CHBV (p <0.001) وكان النمط الجيني GG الطبيعي عاملاً وقائيًا ، p <0.001. كان المصل GAS5 أعلى بشكل ملحوظ في النمط الوراثي TT متحولة لـ GAS5 SNP مقارنة بالأنماط الجينية الأخرى (p = 0.007). فيما يتعلق بـ 137 rs1625579 - miR ، ارتبط النمط الوراثي TT متحولة بشكل كبير بمستوى تعبير مصل أقل من 137 - miR (p = ٠.٠١٨). لقد كشفنا أن مستويات التعبير غير المنظمة لـ GAS5 و 137 - miR المرتبطة بوظائفها SNPs كانت مرتبطة بمخاطر CHBV وقد تكون بمثابة أهداف علاجية محتملة.