البحث الثاني: منفرد وغير مستخلص من رساله

عنوان البحث:

GAS5 rs2067079 and miR-137 rs1625579 functional SNPs and risk of chronic hepatitis B virus infection among Egyptian patients

تعدد اشكال النوكليوتيدات الوظيفيه GAS5 rs2067079) (و (miR-137 rs1625579) و خطر الإصابة بعدوي فيروس التهاب الكبد B المزمن بين المرضى المصريين

اسماء الباحثين: رانيا محمود-إيناس ممدوح حفظي- ألفت شاكر-طارق أحمد-نهى عبد الغفار-**عصام علي حسن**- أمل إبراهيم -دعاء يوسف علي- محمد محمد- أميمة عبد العليم

مكان النشر: :Scientific Reports,2021, 11(1), 20014

سنة النشر: 2021

معامل تأثير المجلة (Clarivate analytics): 4.997

ملخص البحث

تعد عدوى فيروس التهاب الكبد ب (HBV) مشكلة صحية كبيرة في جميع أنحاء العالم. حاولنا استيفاء الآليات الجزيئية للعوامل الوراثية والجينية المرتبطة بفيروس التهاب الكبد ب المزمن (CHBV). تم تحليل مستويات التعبير عن الجين 5 (GAS5) و miR-137 و SNPs المقابلة لهما، rs2067079 (C / T) و rs1625579 (G / T) في 117 مريضًا بفيروس التهاب الكبد ب و 120 من الضوابط للتحقيق في الارتباط المحتمل بين هذه المؤشرات الحيوية ومرضية CHBV في المرضي المصريين. تم تقليل مستويات التعبير في مصل GAS5 و miR-137 بشكل ملحوظ في الحالات مقابل الضوابط. فيما يتعلق بـ GAS5 (rs2067079)، أظهر النمط الجيني TT المتحور زيادة في خطر الإصابة بفيروس التهاب الكبد ب (p < 0.001)، بينما كان CC السائد عاملاً وقائيًا (p = 0.004). فيما يتعلق بـ miR-137rs1625579، تم الإبلاغ عن النمط الجيني المتحور TT كعامل خطر لـ (p < 0.001) CHBV وكان النمط الجيني GG الطبيعي عاملاً وقائيًا، p < 0.001. كان GAS5 في المصل أعلى بشكل ملحوظ في النمط الجيني المتحور TT لـ GAS5 SNP مقارنة بالأنماط الجينية الأخرى (p = 0.007). فيما يتعلق بـ miR-137rs1625579، كان النمط الجيني المتحور TT مرتبطًا بشكل كبير بمستوى تعبير مصل أقل لـ miR-137 (p = 0.018). لقد كشفنا عن أن مستويات التعبير غير المنظمة لـ GAS5 و miR-137 المرتبطة بـ SNPs العاملة كانت مرتبطة بخطر CHBV وقد تعمل كأهداف علاجية محتملة.