تعدد الأشكال miR-155 و MiR-146a في المصريين المصابين بمرض بهجت

المشتركون فى البحث :

ا.د/ ألفت جميل شاكر د/ اميمه عويس عبد العليم د/نرمين أحمد فواد د/ نجلاء عاطف أحمد
د/هدى عبد البديع حسين د/ايناس جمعه ابراهيم علي د/عبد الرحمن احمد محمد
د/عثمان مصطفي زكي **د/دعاء يونس علي محمد**

مكان النشر: Archives of Medical Science
تاريخ النشر: March 19, 2021

ملخص البحث

الخلفية: الدراسة الحالية مصممة لتحليل ما إذا كانت الأشكال المتعددة لـ miR-146a و miR-155 مرتبطة بمرض بهجت (BD) في السكان المصريين. الطريقة: تم التنميط الجيني لمجموعه ٩٦ مريضًا من مرضى BD غير المرتبطين و ١٠٠ من الأشخاص الأصحاء لـ miR-146a (rs2910164) و miR-155 (rs767649) باستخدام تفاعل البوليميراز المتسلسل. النتائج: أظهرت النتائج ارتفاعًا ملحوظا في تواتر الأنماط الجينية rs2910164 GG و CC في مرضى BD مقارنة مع مجموعة التحكم (OR المعدل = ٢٢.١٥٦ ، ٩٥٪ CI (4.728-103.818) ؛ P <0.001 والمعدلة OR = 40.358 ، ٩٥٪ CI (٨.٩٢٨ -١٨٢.٤٤٠) ؛ P <0.001 على التوالي). أيضًا ، منح rs2910164 G allele خطرًا أكبر لتطوير BD (معدل OR = 3.665 ، ٩٥٪ CI (2.013-6.671) ؛ P <0.001). كان تعدد الأشكال rs2910164) MiR-146a) عامل خطر للإصابة بمرض BD في النماذج السائدة والمتنحية والمضافة للوراثة (جميع P <0.001) ، بينما كان تعدد الأشكال rs767649) miR-155) عامل خطر في النموذج المتنحي فقط (P = 0.021). ارتبطت الأنماط الجينية لـ GG و CG لـ rs2910164 بزيادة نشاط BDCAI و تورط العين مقارنة بالنمط الجيني CC (P = 0.005 و P = 0.004 ، على التوالي). النوع الجيني AT لـ rs767649كان مرتبطًا بزيادة نشاط BDCAI (P = 0. 026) مقارنة بالأنماط الجينية TT أو AA. الخلاصة: من المرجح أن تلعب miR-146a (rs2910164)) و miR-155 (rs767649) دورًا مهمًا في السكان المصريين لتطوير BD والتأثير أيضًا على شدة المرض.